

Assemblée Générale — 8 novembre 2018 — Procès-Verbal

Cette année l'AG a été organisé en collaboration avec la Société Suisse de Systématique (SSS), dans le cadre du workshop réalisé pendant le premier jour du meeting annuel de la Société.

3) SSS-Day in Bern: 8-9 November 2018

This year's annual meeting of the Society will be organized during two days with the Natural History Museum of Bern. The first day will include a workshop on fungi instructed by [Beatrice Senn-Irlet](#), with fieldwork in the morning and hands-on on fungi systematics and identification in the afternoon. The use of barcoding in the study of Fungi will also be discussed, and the day will end with the SwissBOL annual meeting.



Our invited speakers for the second day will be [Peter Linder](#) (Uni Zurich) and [Loïc Costeur](#) (Naturhistorisches Museum Basel). As usual, we'll also have regular talks and the SSS general assembly. Registration will start in late September.

Début de la séance à 13h45 au Naturhistorisches Museum Bern, à qui nous remercions également l'accès aux installations.

SSS Workshop 2018 – Program	
Thursday 8 Nov. 2018 – Naturhistorisches Museum Bern, Bernastr. 15	
	09.30 Meeting at the museum – Welcome by Beatrice Senn-Irlet
	09.45 Mycological field excursion (Dählhölzliwald or Bremgartenwald, depending on the whether)
	12.30 Lunch at Restaurant Kirchenfeld
	13.30 SwissBol AG meeting (optional for the workshop participants)
	14.15 lecture by Beatrice Senn-Irlet: how molecular studies have changed fungal systematics
	15.00 Coffee break

1. Activités 2018 (S. Wyler)

1.1 DNA barcoding 1.0

- Introduction du but initial de SwissBOL en tant que projet d'inventaire génétique de la biodiversité suisse et rappel du cadre international en ce qui concerne le choix initial des marqueurs ;
- Survol des projets développés et résumé des chiffres actuels à disposition – 1365 espèces ; 4427 spécimens ; 4260 séquences ; 30 publications scientifiques.

1.2 DNA barcoding 2.0

- Contextualisation des standards du SwissBOL par rapport aux avancées techniques de métabarcoding dans le cadre du référencement génétique des espèces en Suisse ;
- Présentation, à titre d'exemple des enjeux actuels, du projet international DNAqua-Net, auquel le SwissBOL a été invité à participer en ce qui concerne les données de référence. Une analyse de l'état des données disponibles pour les groupes taxonomiques concernés par les listes des espèces aquatiques indicatrices de la qualité des eaux permet trois constats : *i)* les données disponibles dans BOLD sont de mauvaise qualité, la plupart étant issues de Genbank, donc invérifiables ; *ii)* le marqueur accepté comme code-barres officiel n'est pas toujours propice à la détermination des espèces ; *iii)* les données à disposition pour le développement des outils metagénomiques dans les évaluations de la biodiversité et le suivi biologique des masses d'eau européennes sont encore lacunaires.

1.3 Site Web

- Brève présentation du nouveau site web, mis en ligne mi-octobre, avec une simplification générale de la structure et une réactualisation des contenus ;
- Explications supplémentaires sur l'organisation des pages projets ;
- Appel aux membres pour des corrections, suggestions et améliorations de la seule fenêtre publique de l'Association et des activités autour du catalogage génétique de la biodiversité suisse.

1.4 Protocoles des Bonnes Pratiques

- Contextualisation de l'utilité de ces recommandations, qui ont pour but de donner des indications de comment procéder en amont pour que en aval les données puissent être validées et publiées ;

- Brève présentation de la structure standard des documents en prenant exemple sur ceux qui sont déjà disponibles – Récolte de la Faune et L'extraction pour le Laboratoire ;
- Question/Commentaire – Est-ce que ces documents sont seulement disponibles en français ? La réponse est qu'actuellement oui, le but étant d'avoir à disposition des versions en trois langues : français, allemand et anglais ;
- Appel aux membres pour l'élaboration des documents manquants (e.g. récolte pour d'autres groupes taxonomiques) et pour des corrections, suggestions, améliorations et traductions en allemand des documents existants.

1.5 Banque ADN

- Information des avancements faits en ce qui concerne les documents nécessaires pour la mise en place du Réseau national qui hébergera la collection ADN suisse pour la biodiversité — MoU et Guide des bonnes pratiques ;
- Discussion sur la nécessité d'avoir ces documents dans les autres langues avant la soumission aux institutions et évaluation des ressources à disposition face à la stratégie adoptée par le comité d'avoir les informations à disposition en trois langues – français, allemand et anglais.

2. Partie statutaire (S. Wyler)

2.1 PV de l'AG 2017

- Approbation du PV sans modifications.

2.2 Nouveaux membres

- Souhait de la bienvenue à Jean-Louis Berthoud (étudiant à l'Université de Fribourg qui n'a pas pu être présent), Andrin Gross (de la WSL qui s'excuse également pour son absence) et Michèle Price (du Conservatoire et jardin botaniques de Genève aussi absente) ;
- L'Association compte aujourd'hui 34 membres.

2.3 Comité actuel

- Rappel du comité constitué depuis 2015 par cinq membres: Jan Pawlowski (le président), Yves Gonseth (qui s'excuse pour son absence), Michel Sartori, Christoph Scheidegger et Sofia Wyler ;

- Annonce de Christoph qui quitte le comité avec les remerciements des personnes présentes.

2.4 Nouveau comité

- Annonce des nouveaux membres qui se candidatent au comité – Alice Cibois, Andrin Gross et Edward Mitchell ;
- Appel aux membres présents à faire partie du comité. Parmi les présents pas d'intéressés et décision de faire un appel général par email pour étoffer le groupe pendant l'année à venir ;
- Approbation de la nouvelle constitution du comité.

3. Perspectives (C. Scheidegger)

3.1 Financement et coordination 2019

- Annonce de la prise en charge de la coordination du SwissBOL (salaire S. Wyler) par le contrat GBIF avec l'OFEV pour les quatre ans à venir et probablement de façon pérenne avec des négociations à la fin de chaque contrat, soit tous les 4 ans. Une bonne opportunité de continuer à développer les synergies initiées pendant les années transitoires.

3.2 Objectifs court terme (2019-2020)

- Rappel de l'importance des développements informatiques en lien avec le GBIF. Ce sera cette base de données qui permettra le lien entre les données génétiques et les informations chorologiques et du spécimen, ainsi que la traçabilité des matériaux génétiques. Engagement formel d'avoir les matrices de saisie à disposition et les données déjà existantes visibles au cours de 2019 ;
- Information du nouveau fonctionnement d'iBOL, qui se base sur un système où les nations partenaires deviennent membres votants à travers la signature d'un MoU et le paiement d'une cotisation annuelle, qui s'élève à environ 3500CHF. Le SwissBOL a été contacté pour devenir un des membres et le comité a dû reporter la réponse, par manque de ressources financières stables. Une possibilité pour garantir le paiement de la cotisation chaque année et de façon pérenne serait de passer par la SCNAT
- Présentation des démarches faites auprès de la SCNAT pour être reconnu en tant que membre scientifique. Cette stratégie s'est avéré inadéquate (pas assez de membres dans l'Association et des possibilités restreintes pour obtenir des fonds) et changement de stratégie pour la formation d'une Commission au sein de la Plateforme Biologie. Démarche assez novatrice

et Christoph doit faire le nécessaire auprès de la Plateforme pour que la demande émanant du SwissBOL soit ciblée au mieux. Un appel aux membres pour appartenir à cette commission sera effectuée en temps voulu.

3.3 Stratégie moyen terme (2020-2022)

- Présentation du besoin de trouver une source budgétaire qui permette le développement de projets ciblés et l'acquisition de nouvelles données génétiques intéressantes pour le SwissBOL. Une collaboration avec les musées et le projet de relevé des collections est évoquée. Le volet génétique permettrait d'intervenir et d'affiner les révisions de détermination en augmentant la résolution des données relevées relatifs aux collections nationales. Le SwissBOL doit aussi être proactif dans la recherche de fonds pour le développement de projets avec intérêt pour les membres. D'autres pistes sont donc à évaluer ;
- Discussion sur la difficulté grandissante d'obtenir un financement de la part de l'OFEV pour le développement de projets ciblés. Mais de manière plus ou moins indirecte des projets de cette nature existent déjà et il s'agit de pouvoir rapatrier les données ;
- Conclusion sur la nécessité de plus en plus urgente à ce que le SwissBOL soit informatiquement prêt à recevoir et gérer les données de projets qui se développent de façon indépendante (pour certains avec le soutien financier de l'OFEV).

4. Divers & Clôture (S. Wyler)

En l'absence de divers, la séance est levée à 14h15. S'en est suivi un séminaire donné par une des membres de l'Association, Béatrice Senn-Irlet, intitulé « How molecular studies have changed fungal systematics ».